



**EPIDEMIOLOGICAL APPROACHES FOR SURVEILLANCE OF
DENGUE VIRUS – INFECTED *Aedes* MOSQUITOES
IN THE FIELD**

SOMBOON PATPOPARN

อดิศักดิ์ พัทปะปาน
จาก
บัณฑิตวิทยาลัย มหาวิทยาลัยมหิดล

**A THESIS SUBMITTED IN PARTIAL FULFILLMENT
OF THE REQUIREMENTS FOR
THE DEGREE OF MASTER OF SCIENCE (PUBLIC HEALTH)
MAJOR IN INFECTIOUS DISEASES
FACULTY OF GRADUATE STUDIES
MAHIDOL UNIVERSITY**

2001

ISBN 974-04-0009-4

TH
S 693 ep
2001
c. 2

COPYRIGHT OF MAHIDOL UNIVERSITY

Copyright by Mahidol University

4237227 PHPH/M : MAJOR : INFECTIOUS DISEASES; M.Sc. (PUBLIC HEALTH)

KEY WORDS : AEADES MOSQUITOES/DENGUE VIRUS/ELISA/IFA/RT-PCR
EPIDEMIOLOGY/SURVEILLANCE.

SOMBOON PATPOPARN : EPIDEMIOLOGICAL APPROACHES FOR
SURVEILLANCE OF DENGUE VIRUS – INFECTED *Aedes* MOSQUITOES IN
THE FIELD. THESIS ADVISORS : MAYUNA SRISUPHANUNT, Ph.D.,
JIRASAK ROJANAPREMSUK, Dr.P.H., WATCHAREE ATTATIPPAHOLKUN,
Ph.D., RATANA SITHIPRASASNA, M.S., SARAVUDH SUVANNADABBA,
M.D.,M.P.H., 88 p. ISBN 974-04-0009-4.

Epidemiological surveillance for dengue infection through the detection of the dengue virus type(s) infecting *Aedes* mosquitoes during epidemic periods constitutes a reliable sentinel system for dengue outbreaks. Various techniques have been applied by Enzyme Linked Immunosorbent Assay (ELISA), Indirect Immunofluorescent Assay (IFA), and Reverse Transcriptase – Polymerase Chain Reaction (RT-PCR) assay for the virologic surveillance of the type-specific detection of dengue viruses in artificially infected and in field-caught adult *Aedes* mosquitoes. In laboratory experiments, all assays showed sufficient sensitivity to detect one virus infected mosquito and the rapid RT-PCR clearly showed the serotype-specificity with very high detection sensitivity in 1:80 diluted RNA extraction template of a single mosquito. In a prospective field study conducted from April to September 2000, female adult *Aedes* mosquitoes were caught from selected dengue-sensitive areas in Chombung District, Ratchaburi Province and assayed by ELISA, IFA and RT-PCR. Approximately 18.3% (44/240), 28.98% (20/69) and 15% (3/20) were positive for dengue virus, respectively. The geographic distribution of the virus-infected *Aedes* mosquitoes and household locations were also demonstrated by using the Global Positioning System (GPS) and the Geographical Information System (GIS). The development of RT-PCR laboratory-based surveillance of dengue virus infection coupled with disease mapping data could successfully serve as the epidemiologic tools for an early warning system of dengue fever epidemics.

42372227 PHPH/M : สาขาวิชาเอก : โรคติดเชื้อ ; วท.ม. (สาธารณสุขศาสตร์)

สมบูรณ์ ปัดปอการ : การใช้วิทยาการระบาดเพื่อการเฝ้าระวังการติดเชื้อไวรัสเดงกีใน
 ขุนลาจากภาคสนาม (EPIDEMIOLOGICAL APPROACHES FOR SURVEILLANCE
 OF DENGUE VIRUS – INFECTED *Aedes* MOSQUITOES IN THE FIELD)
 คณะกรรมการควบคุมวิทยานิพนธ์ : มยุนา ศรีสุกนันต์ Ph.D., จิระศักดิ์ โรจนาเปรมสุข Dr.P.H.,
 วัชร อัครดทิพพหลคุณ Ph.D, รัตนา สิทธิประศาสน์ M.S., สราวุธ สุวัฒน์ทัฬพะ MD,MPH,
 88 หน้า ISBN 974-04-0009-4

ในการป้องกันและควบคุมโรคไข้เลือดออก (Dengue haemorrhagic fever) จะได้ผลดี
 อยู่กับการลดจำนวนขุนลาที่ติดเชื้อ ตลอดจนการลดจำนวนประชากรขุนลาในชุมชน ซึ่งจะส่งผลให้
 ลดจำนวนผู้ป่วยตามมา การควบคุมการระบาดจึงเน้นให้มีการจัดระบบการเฝ้าระวังโรคและพาหะนำ
 โรคที่มีคุณภาพ พร้อมทั้งมีระบบการรายงานที่ถูกต้องและรวดเร็วโดยมีการเฝ้าระวังทั้งทางระบาด
 วิทยาและกึ่งวิทยาด้วยการตรวจหาเชื้อไวรัสเดงกีในขุนลาระหว่างช่วงเกิดการระบาดเพื่อลดจำนวน
 ขุนลาที่ติดเชื้อได้อย่างมีประสิทธิภาพและรวดเร็ว การศึกษานี้จึงได้พัฒนาวิธีการตรวจหาเชื้อไวรัส
 เดงกีด้วยวิธี Enzyme Linked Immunosorbent Assay (ELISA), Indirect Immunofluorescent
 Assay (IFA), และ Reverse Transcriptase – Polymerase Chain Reaction (RT-PCR) โดย
 ได้ทำการตรวจหาเชื้อไวรัสเดงกีในขุนลาจากขุนลาทดลองที่ติดเชื้อในห้องปฏิบัติการและจากธรรมชาติ
 ในภาคสนาม ผลการศึกษาพบว่าทุกวิธีมีความไวพอในการตรวจพบเชื้อไวรัสเดงกีจากขุนลา
 ในห้องปฏิบัติการเพียงตัวเดียวและวิธี RT-PCR ให้ผลจำแนกชนิดเชื้อไวรัสเดงกีได้อย่างจำเพาะและ
 มีความไวสูงในการตรวจพบเชื้อที่ถูกเจือจางถึง 1: 80 เท่าของสารสกัดแม่พิมพ์ RNA ส่วนการศึกษา
 จากภาคสนามได้ทำการเก็บตัวอย่างขุนลาเพศเมีย จากอำเภอจอมบึง จังหวัดราชบุรี ระหว่างเดือน
 เมษายน ถึง กันยายน 2543 และตรวจหาเชื้อไวรัสเดงกีด้วยวิธี ELISA, IFA และ RT-PCR พบว่า
 ให้ผลบวก ร้อยละ 18.3% (44/240), 28.98% (20/69) และ 15% (3/20) ตามลำดับ ผลการศึกษา
 ยังได้วิเคราะห์ข้อมูลระบาดวิทยาแสดงแผนผังการแพร่กระจายขุนลาที่ติดเชื้อ จำนวนประชากรขุนลา
 และพื้นที่เสี่ยงที่อยู่รอบ ๆ หมู่บ้านโดยใช้ Global Positioning System (GPS) และ Geographical
 Information System (GIS) เพื่อวางแผนตัดวงจรการกระจายโรค

จากการศึกษาแสดงให้เห็นว่าการพัฒนาระบบการเฝ้าระวังโรคและพาหะนำโรคด้วยวิธี
 RT-PCR ควบคู่กับข้อมูลแผนผังการแพร่กระจายโรคและพาหะขุนลาที่ติดเชื้อจะใช้เป็นข้อมูลทาง
 ระบาดวิทยาที่มีคุณภาพ เพื่อทำนายการเกิดการระบาดของโรคไข้เลือดออกได้ทันล่วงหน้าถูกต้องและ
 รวดเร็ว