

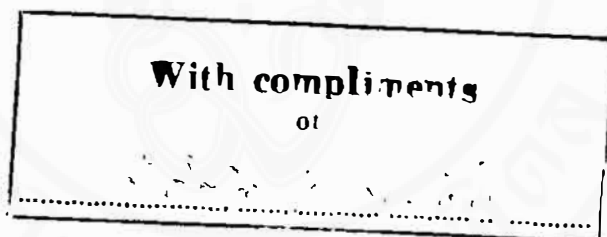


9 AUG 1996

**PURIFICATION AND CHARACTERIZATION OF
DNA REPLICATING ENZYMES FROM
HUMAN MALARIA PARASITE, *PLASMODIUM FALCIPARUM***

SUPATRA LEELAPHIWAT

~



**A THESIS SUBMITTED IN PARTIAL FULFILLMENT OF
THE REQUIREMENTS FOR THE DEGREE OF
MASTER OF SCIENCE
(BIOCHEMISTRY)**

**IN
FACULTY OF GRADUATE STUDIES
MAHIDOL UNIVERSITY**

1996

TH
S959p
1996

26095

ชื่อวิทยานิพนธ์ การแยกและศึกษาคุณสมบัติของเอนไซม์ที่เกี่ยวข้องกับกระบวนการ
แบ่งตัวของดีเอ็นเอ จากเชื้อมาลาเรียของคน, พลาสโมเดียมฟัลซิพารัม

ผู้วิจัย สุพัตรา ลีลาภิวัดน์

ปริญญา วิทยาศาสตรมหาบัณฑิต (ชีวเคมี)

คณะกรรมการควบคุมวิทยานิพนธ์
ประพนธ์ วิไลรัตน์ Ph.D.
วรชาติ สิริวรากรณ์, ปร.ด.

วันที่สำเร็จการศึกษา 10 พฤษภาคม พ.ศ. 2539

บทคัดย่อ

โรคมมาลาเรียที่เป็นอันตรายต่อคนที่สำคัญที่สุดเกิดจากเชื้อพลาสโมเดียม ฟัลซิพารัม ปัญหาสำคัญประการหนึ่งในการควบคุมและรักษาโรคนี้ เกิดจากการดื้อต่อยาที่ใช้รักษาแทบทุกชนิด วิธีหนึ่งที่จะช่วยแก้ไขปัญหาคือยาของเชื้อมาลาเรียชนิดนี้คือ การค้นคว้าหาชนิดใหม่ที่มีประสิทธิภาพเพิ่มขึ้น และการเลือกหาเอนไซม์เป้าหมายใหม่ที่สามารถถูกยับยั้งการทำงานได้โดยยาค้นคว้าแล้วมีผลทำให้เชื้อมาลาเรียไม่สามารถเจริญเติบโตได้

ในการศึกษานี้ เอนไซม์ 2 ตัว ซึ่งเกี่ยวข้องกับกระบวนการแบ่งตัวของดีเอ็นเอของเชื้อพลาสโมเดียม ฟัลซิพารัม ได้ถูกนำมาศึกษา เอนไซม์ทั้งสองนี้ได้แก่ เอนไซม์ดีเอ็นเอโทโปไอโซเมอเรส II และเอนไซม์ดีเอ็นเอโพลีเมอเรสแกมมา เอนไซม์ดีเอ็นเอโทโปไอโซเมอเรส II ได้จากการสกัดโดย FPLC ด้วยการ ใช้ Econo Pac Q, heparin - agarose และ Mono Q column พบว่า

สามารถแยกสกัดได้บริสุทธิ์ 3 เท่า และได้ปริมาณแอนไซม์บริสุทธิ์ 25% เมื่อวิเคราะห์แอนไซม์ที่ได้โดยวิธี SDS-polyacrylamide gel electrophoresis พบว่าแอนไซม์คือเอนเอโทโปไอโซเมอเรส II ของเชื้อพลาสโมเดียม ฟัลซิพารัมนี้ มีน้ำหนักโมเลกุลประมาณ 160 กิโลดาลตัน ซึ่งอยู่ในช่วงเดียวกันกับแอนไซม์เอนเอโทโปไอโซเมอเรสที่สกัดจากเซลล์ eukaryotic ชนิดอื่น ๆ และจากการศึกษาปฏิกิริยาระหว่างเอนเอโทโปไอโซเมอเรส II ที่สกัดจากเชื้อพลาสโมเดียม ฟัลซิพารัมกับ Polyclonal antibody เอนเอโทโปไอโซเมอเรส II ของคน พบว่า แอนไซม์ทั้งสองนี้มีความแตกต่างกันในส่วนของ C-terminal

ส่วนการแยกสกัดแอนไซม์ เอนเอ โพลีเมอเรสแอมมาโดย FPLC ด้วย column Econo Pac Q และ Mono S นั้น แม้ว่าแอนไซม์เอนเอโพลีเมอเรส แอมมาซึ่งคือคือ aphulicolin จะไม่สามารถแยกออกจากแอนไซม์เอนเอโพลีเมอเรสที่ไวต่อ aphulicolin แต่ยังคงพบว่ามีโปรตีนขนาดน้ำหนักโมเลกุล 150 kDa ปรากฏเด่นชัดขึ้นตามลำดับขั้นตอนการแยกสกัดแอนไซม์และจากการศึกษาลำดับการเรียงตัวของโปรตีนของแอนไซม์ เอนเอโพลีเมอเรสแอมมาของเชื้อพลาสโมเดียม ฟัลซิพารัม โดยวิธี automatic Edman degradation พบว่า ทางด้าน N-terminal มีลำดับการเรียงตัวของโปรตีน 9 ตัวแรกเป็น Met Glu Asn Lys Glu Lys Val Leu Asp (MENKEKVLVD).

Thesis Title Purification and Characterization of DNA Replicating
Enzymes from Human Malaria Parasite, *Plasmodium*
falciparum

Name Supatra Leelaphiwat

Degree Master of Science (Biochemistry)

Thesis Supervisory Committee

Prapon Wilairat, Ph D
Worachart Sirawaraporn, Ph D

Date of Graduation 10 May B E 2539 (1996)

ABSTRACT

Plasmodium falciparum, the most virulent of the four human malaria parasites, has now developed resistance to nearly all of the widely available antimalarial drugs. Thus development of new antimalarial drugs and identification of potential target enzymes are urgently needed.

Two enzymes involved in DNA replication of *P. falciparum*, DNA topoisomerase II and DNA polymerase γ , were chosen as possible target enzymes in this study. DNA topoisomerase II was partially purified by FPLC using three columns: Econo Pac Q, heparin-agarose, Mono Q. The fold purification was 3 with 25 % yield. Silver staining of SDS-polyacrylamide gel showed that the size of *P. falciparum* DNA topoisomerase II was 160 kDa which was similar to that

observed in other eukaryotes. Reaction with a commercial polyclonal anti-human topoisomerase II antibody showed that *P. falciparum* topoisomerase II did not share a common C-terminal epitope.

Purification of DNA polymerase γ was conducted using two columns of FPLC Econo Pac Q and Mono S. Although activity of *P. falciparum* DNA polymerase γ (aphidicolin-resistant) could not be separated from aphidicolin-sensitive DNA polymerase, a band of 150 kDa became prominent during the purification steps. N-terminal sequencing of this putative DNA polymerase γ by Edman degradation showed an assignment of Met Glu Asn Lys Glu Lys Val Leu Asp (MENKEKVLD).